

## EMC diagnostiek panel V5.1

Coderende sequentie: CDKN2A (coverage obv design 98 %), PTEN (94 %) en TP53 (100 %).

Mutatie hotspots: AKT1 (exon 3), ALK (20, 22-25), APC (14), ARAF (7), BRAF (11, 15), CTNNB1 (3, 7, 8), EGFR (18-21), EZH2 (16), FBWX7 (9, 10), FOXL2 (1), FGFR1 (4, 7, 12), FGFR2 (7, 9, 12), FGFR3 (7, 9), GNA11 (4, 5), GNAQ (4, 5), GNAS (8, 9), HER2 (19-21), HRAS (2-4), IDH1 (4), IDH2 (4), KIT (8, 9, 11, 13, 14, 17), KRAS (2-4), MAP2K1 (2, 3), MET (2, 14, 19), MYD88 (5), NOTCH1 (26, 27), NRAS (2-4), PDGFRA (12, 14, 18), PIK3CA (10, 21), POLD1 (12), POLE (9, 13), RAF1 (7), RET (11, 16), RNF43 (3, 4, 9), ROS1 (38, 41), SMAD4 (3, 9, 12) en STK11 (4, 5, 8).

Niet-coderende sequentie: TERT promoter.

Detectielimiet: 20% neoplastische cellen