

Gebruikte assay: Ion Ampliseq™ Haematpanel (custom design)

Gen	ENST nummer	Coverage (codons)
ABL1	ENST00000318560.5	codons 184-474
ASXL1	ENST00000375687.4	codons 574-1542
ATM	ENST00000278616.4	codons 1-3057
BRAF	ENST00000288602.6	codons 450-477, 582-611
CALR	ENST00000316448.5	codons 352-418
CBL	ENST00000264033.4	codons 366-477
CD79A	ENST00000221972.3	codons 1-227
CD79B	ENST00000392795.3	codons 1-231
CEBPA	ENST00000498907.2	codons 1-15, 20-359
CRLF2	ENST00000381567.3	codons 219-252
CSF3R	ENST00000373103.1	codons 576-622
CXCR4	ENST00000409817.1	codons 1-357
DNMT3A	ENST00000264709.3	codons 881-913
ETV6	ENST00000396373.4	codons 1-453
EZH2	ENST00000320356.2	codons 640-649
GATA1	ENST00000376670.3	codons 1-73
HRAS	ENST00000311189.7	codons 5-33, 45-91
ID3	ENST00000374561.5	codons 1-120
IDH1	ENST00000345146.2	codons 101-138
IDH2	ENST00000330062.3	codons 131-174
IKZF1	ENST00000331340.3	codons 1-520
JAK2	ENST00000381652.3	codons 601-621, 629-659, 665-694
KIT	ENST00000288135.5	codons 373-395, 412-444, 450-469, 788-826
KRAS	ENST00000311936.3	codons 4-65, 113-149
MPL	ENST00000372470.3	codons 491-515
MYD88	ENST00000396334.3	codons 260-268
NOTCH1	ENST00000277541.6	codons 1555-1630, 1674-1769, 2061-2556
NOTCH2	ENST00000256646.2	codons 1626-1662, 2395-2432
NPM1	ENST00000296930.5	codons 224-295
NRAS	ENST00000369535.4	codons 1-30, 55-88
PDGFRA	ENST00000257290.5	codons 837-854
PTPN11	ENST00000351677.2	codons 47-61, 486-526
RUNX1	ENST00000437180.1	codons 1-481
SETBP1	ENST00000282030.5	codons 853-890
SF3B1	ENST00000335508.6	codons 603-639, 655-678, 694-730, 742-754
SRSF2	ENST00000392485.2	codons 75-119
STAT3	ENST00000264657.5	codons 596-666
TET2	ENST00000380013.4	codons 1-2003
TNFAIP3	ENST00000237289.4	codons 1-791
TP53	ENST00000269305.4	codons 1-394
U2AF1	ENST00000291552.4	codons 16-40
U2AF2	ENST00000308924.4	codons 1-476
WT1	ENST00000332351.3	codons 1-74, 89-518

Disclaimer NGS-analyse:

Deze analyses omvatten geen kiembaanvarianten, behalve indien aangegeven. Er wordt gestreefd naar een gemiddelde coverage van 500x over het gehele genpanel. Varianten met een allelfrequentie onder de 1% of met een absoluut aantal minder dan 25 reads, worden gezien als achtergrondruis en worden niet gerapporteerd. Varianten met een allelfrequentie tussen de 1% en 5% worden besproken door het multidisciplinair team, waarna besloten wordt of ze gerapporteerd worden. Varianten met een allelfrequentie boven de 5% worden gerapporteerd. Er is een vals negatieve marge; indien geen varianten gerapporteerd zijn, is de mogelijke aanwezigheid van somatische varianten niet uitgesloten. De vermelde percentages zijn allelfrequenties van de genoemde variant. Informatie over klinische implicaties wordt in principe vermeld zoals beschreven in MyCancerGenome.org. Of de patiënt in aanmerking komt voor genoemde therapie wordt door de behandelend arts per patiënt besloten.