

**Gebruikte assay: Ion Ampliseq™ Kidneypanel.**

Deze assay omvat alleen de hotspot regio's (regio's die frequent gemuteerd zijn in deze genen) en geeft geen informatie over de complete coderende sequentie van de weergegeven genen. Deze assay is niet officieel gevalideerd voor het aantonen van amplificaties.

Gen	NM nummers	Coverage (codons)
AMER1	NM_152424.3	codons 1-253, 283-337, 345-566, 602-649, 660-1136
FBXW7	NM_001349798.2	codons 1-158, 168-708
SMARCA4	NM_001128844.1	codons 1-60, 70-323, 331-582, 588-1631, 1638-1648
SMARCB1	NM_003073.4	codons 1-386
TP53	NM_000546.5	codons 1-24, 33-394
VHL	NM_000551.3	codons 1-18, 24-61, 69-214
WT1	NM_024426.5	codons 1-74, 122-518

**Disclaimer NGS-analyse:**

Deze analyses omvatten geen kiembaanvarianten, behalve indien aangegeven. Er wordt gestreefd naar een gemiddelde coverage van 500x over het gehele genpanel. Varianten met een allelfrequentie onder de 1% of met een absoluut aantal minder dan 25 reads, worden gezien als achtergrondruis en worden niet gerapporteerd. Varianten met een allelfrequentie tussen de 1% en 5% worden besproken door het multidisciplinair team, waarna besloten wordt of ze gerapporteerd worden. Varianten met een allelfrequentie boven de 5% worden gerapporteerd. Er is een vals negatieve marge; indien geen varianten gerapporteerd zijn, is de mogelijke aanwezigheid van somatische varianten niet uitgesloten. De vermelde percentages zijn allelfrequenties van de genoemde variant. Of de patiënt in aanmerking komt voor genoemde therapie wordt door de behandelend arts per patiënt besloten.