

Release notes “Importknop”

De aanleiding voor de realisatie van de “Importknop” is voorgekomen uit het PATH project waarbij een XML bestand met Moleculaire gegevens, door derden in een aantal conversie stappen samengesteld, vanuit een externe netwerkshare moet worden geïmporteerd door de PPMm. Hierdoor wordt het overtypen van gegevens vermeden wat de efficiency verhoogt en fouten voorkomt. Omdat de apparatuur, waaruit de brongegevens voor het XML bestand worden overgenomen, niet beschikt over het vastleggen van een PA-nummer en de output (bijvoorbeeld een VCF bestand voor NGS) van deze apparatuur met een eigen bestandsnaam wordt geproduceerd, moet door de gebruiker in U-DPS een relatie (referentie) worden gelegd tussen de bestandsnaam, de locatie waar dit bestand is geplaatst en het PA-nummer waartoe dit bestand behoort. In de wandelgangen is deze functionaliteit de ‘importknop’ genoemd. Gedurende het PATH project werd duidelijk dat het importeren van XML bestanden van derden in de toekomst breder zal worden ingezet. De ‘importknop’ zal daarom meerdere referenties van meerdere bronnen en locaties moeten kunnen onderscheiden en deze separaat in het workflowproces aan de PPMm kunnen aanbieden.

Dit is een ander proces dan het inlezen van klinische gegevens, wat reeds mogelijk is (CRIS4), in deze situatie komen de gegevens uit een order die reeds gekoppeld is aan een PA nummer.

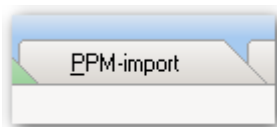
In het kader van het ‘PATH’ project, maar generiek opgezet, is door LogicNets een twee-steps procedure ontwikkeld. Als in U-DPS op een ‘Start import’ knop in het tabblad PPM-import gedrukt wordt dan wordt de PPMm met een iets afwijkende URL gestart. U-DPS zet dan naast het normale ‘.out’ bestand een ‘.imp’ bestand klaar. Dat ‘.imp’ bestand is een kopie van het eerder in dat tabblad door de gebruiker gekozen ‘Referentie’ bestand.

Het bestand van het type VCF wordt door een externe applicatie vertaald naar een bestand in landelijke XML formaat, dat vervolgens door de PPMm kan worden geïmporteerd. Voor het plaatsen van dit te importeren XML bestanden wordt een bij voorkeur externe share aangeboden. Dat wil zeggen, dat de share zich op een locatie bevindt buiten het U-DPS, maar wel kan worden benaderd voor de import. Voor de ondersteuning bij de realisatie daarvan is medewerking van de lokale ICT ondersteuning noodzakelijk en kan tevens contact worden gezocht met DTHS.

Momenteel is er maar één bron en dat is PATH en kent maar één doel protocol, het “Moleculaire Bepalingen” . Omdat het importeren van bestanden generiek is opgezet bestaat de mogelijkheid, dat het aantal bronnen in de toekomst wordt uitgebreid.

De zichtbaarheid van het tabblad is afhankelijk van een instelling in U-DPS.

In U-DPS komt na instelling een tabblad “PPM-import beschikbaar. Om het tabblad PPM-import in U-DPS beschikbaar te krijgen zal de gebruiker contact moeten opnemen met DTHS, om een instelling hiervoor aan te brengen.



Als he tabblad wordt geopend is het volgende scherm zichtbaar:

Kies

Bron **PATH** ▼

Referentie ▼

Status

Kies	Bron	Refe...	Status
i01	PATH		

Een eerste mogelijke import vanuit de bron "PATH" staat al klaar.

Kies

Bron **PATH** ▼

Referentie ▼

Status

Kies	Bron	Refe...	Status
i01	PATH		

Achter het veld "Referentie" bevindt zich een dynamische keuzelijst die de beschikbare te importeerbare bestanden toont waaruit een keuze kan worden gemaakt.

Kies

Bron **PATH** ▼

Referentie **GeneSetProtocol.xml** ▼

Status

Kies	Bron	Referentie	Status
i01	PATH	GeneSetProtocol.xml	

Met de knop "Start import" wordt het importeren van het gekozen bestand gestart. Er kan telkens maar één XML bestand tegelijk worden aangeboden. Het protocol "Moleculaire Bepalingen" kan maximaal 3 XML bestanden opnemen.

De protocolmodule wordt geopend:

Rapport Nummer: **T17-03360**
 Patient Naam: **Testmaneen**

Patient Nummer:
 Geslacht:
 Geboorte Datum:

Percentage neoplastische cellen
 voldoende
 onvoldoende

Hoeveelheid DNA
 voldoende
 onvoldoende
 onbekend

Kwaliteit DNA
 goed
 matig / voldoende
 onvoldoende

Datasheet Seq analyse panel

Gebuurkte techniek
 NGS
 NGS (no import)
 Sanger sequencing
 Pyro-sequencing
 anders

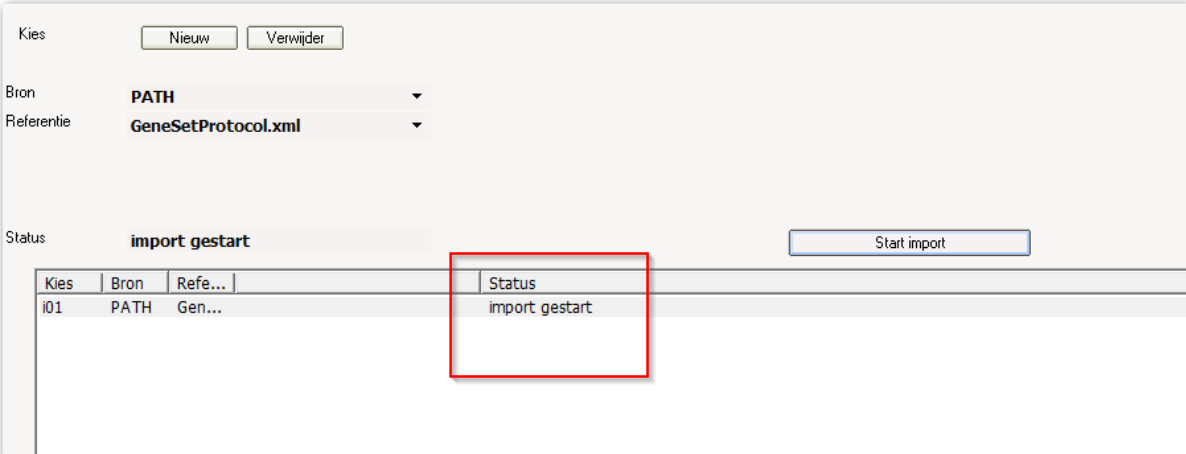
Info teksten platform tonen
 ja

NGS platform
 Ion Ampliseq (Life technologies)
 platform x

Info teksten genen tonen
 ja

j/n	Coverage	Frequency	Gene	Transcript	Exon	Coding
<input type="checkbox"/>	3664	10.9	EGFR	NM_005228.3 NR_047551.1	exon19	c.2369C>T
<input type="checkbox"/>	3883	20.6	ABL1	NST00000311936	exon19	c.2236_2250delGAATTAAGAGAAGCA
<input type="checkbox"/>	3883	20.6	EGFR	NM_006218.2	exon117	c.1068_1069insATTGTTACTGTTGATGGATACGTGGACCCT
<input type="checkbox"/>	3611	12.9	ABL1	NM_005228.3 NR_047551.1	exon10	c.2334C>T

Nadat de knop “Start import” is gebruikt, krijgt het statusveld de waarde: “import gestart”.



The screenshot shows a web interface with the following elements:

- Kies**: Buttons for **Nieuw** and **Verwijder**.
- Bron**: Dropdown menu showing **PATH**.
- Referentie**: Dropdown menu showing **GeneSetProtocol.xml**.
- Status**: A text field displaying **import gestart**.
- Start import**: A button that has been used.
- Table**: A table with the following data:

Kies	Bron	Refe...	Status
j01	PATH	Gen...	import gestart

Na het importeren van de bewuste XML bestanden worden deze verplaatst naar een directory op het U-DPS “/u/local/ppmimport.done” waar ze vooralsnog bewaard blijven.

Meer over het protocol “Moleculaire Bepalingen” is te vinden op de website van PALGA:

<http://www.palga.nl/assets/uploads/Protocollen/Moleculairebepalingen.pdf>